p.R231H) y una alteración de la metilación del promotor.

# Conclusiones:

Un fenotipo de obesidad hiperfágica de evolución (sin macrosomía neonatal), rasgos variables de sobrecrecimiento y retraso psicomotor se asocian a defectos de novo en el locus GNAS. Dos pacientes son producto de FIV. El sobrecrecimiento, macrocefalia y criptorquidia no se han asociado previamente a PHP1A, lo que podría despistar su diagnóstico inicial hacia síndromes como Prader-Willi o MOMO.

Paciente	Edad	TSH mIU/L	FT4 ng/dl	PTH pg/ml	Ca mg/dl	P mg/dl	ACTH pg/ml	Peso DE	Talla DE	IMC DE	Mutación
1	9 m 5 a	14,1 1,1	0,92	1890	7,3	9	:	+4,6 +5,49	+3,25 +4,05	+3,99 +5,41	p.R232H c.695G>A
2	4 a	3,32	1,12	55	10,4	5,7	12	+3,17	+1,92	+2,34	met
3	18 m 3 a	12,82 6,22	1,15 1	117 36	8,2 9,8	6,5 6,6	23	+2,7 +3,90	-0,87 -0,02	+4,63 +5,34	p.M222T c.665T>C
4	11 m 2 a	42,54 0,67	1,38 1,12	195 270	10,4 8,6	6,4 6,8	473 49	+5,94 +3,72	+1,28 +0,21	+5,44 +4,75	p.D224H c.670G>C
Rango n	ormal	0,7-5,7	0,93-1,7	12-65	8,8-10,8	4,5-5,5	5-46	-2+2	-2+2	-2+2	

10.3266/RevEspEndocrinolPediatr.pre2016.Apr.355

#### **Tiroides**

### O4/d3-029

# CÁNCER DE TIROIDES. EXPERIENCIA EN NUESTRO CENTRO EN LOS ÚLTIMOS 10 AÑOS

L. Salamanca Fresno, A. Fernánez Menéndez, M. El Kadaoui Calvo, I. Saiz Rodríguez, I. Rabanal Retolaza, I. González Casado.

Hospital Universitario La Paz/Servicio de Endocrinología Pediátrica. Madrid.

# Introducción:

En pediatría, el cáncer de tiroides es una entidad infrecuente y de buen pronóstico. Sin embrago, las metástasis ganglionares y a distancia, y las tasas de recurrencia son superiores que en la edad adulta.

## Obietivos:

Estudio de 30 casos recogidos en el servicio de Endocrinología Pediátrica de nuestro hospital en los últimos 10 años.

# Resultados:

Las principales características se recogen en tabla 1. 17 pacientes fueron remitidos por historia familiar de MEN2A clásico (carcinoma medular y feocromocitoma bilateral predominantemente) y una paciente MEN2A asociado a líquen amiloideo. Las mutaciones en posición 634 del gen RET fueron las más prevalentes (7 casos), seguidos de la posición 618 (5), 620 (2) y 611 (2). 4 pacientes con enfermedad de Hirschprung presentaron cambios en RET en posiciones 611, 916, 917 (no descrita previamente), y una gran deleción de 5 Kb en exones 6, 7, 8, 9 y 10. Un paciente con neuromas mucosos y hábito marfanoide fue diagnosticado de MEN2B (mutación

de novo en posición 918) por tumoración cervical y adenopatías. 6 de 7 portadores en posición 634 presentaron carcinoma medular bilateral (15 meses de vida el más precoz). El portador de MEN2B fue el único en presentar invasión capsular y metástasis ganglionares bilaterales.

8 pacientes fueron diagnosticados de carcinoma diferenciado (6 papilares y 2 foliculares) siendo la tumoración cervical indolora asociada a adenomegalias la presentación más frecuente. En ningún caso existe antecedente de exposición a radiación, síndromes genéticos ni antecedentes familiares. Ecográficamente son nódulos solitarios asintomáticos con tamaño medio de 24 mm sobre una glándula aumentada asimétricamente (57%). En un caso existe patología tiroidea previa (tiroiditis). En los pacientes con carcinoma papilar, 5 precisaron linfadenectomía y 3 reintervención quirúrgica con 66% de multifocalidad. El número medio de dosis ablativas con I131 fue de 2.8/paciente.

#### Conclusiones:

La elevada tasa de metástasis en el carcinoma papilar resalta la importancia del diagnóstico precoz. Se comprueba una correlación genotipo/fenotipo en los casos de mutaciones asociadas a MEN. Las tasas de complicaciones quirúrgicas han descendido tras establecerse un servicio de otorrinolaringología pediátrico especializado.

	Nº	SEXO M/V	EDAD MEDIA DIAGNÓSTICO	DIAGNÓSTICO	ANTECEDENTES FAMILIARES	TIROIDECTOMÍA EDAD	COMPLICACIONES	ANATOMÍA PATOLÓGICA	
PAPILAR	6	4/2	7 años 4 meses	Adenopatias 60% Tumoración cervical 40%	0%	8 años	Paresia cuerdas vocales 33% Hipoparatiroldismo 33%	1 caso subtipo esclerosante difuso	Ganglionares 66% N. Recurrente 50% Pulmonares 33%
FOLICULAR	2	1/1	7 años 9 meses	Tumoración cervical 100 %	0 %	9 años 4 meses	Hipoparatiroidismo 50%	1 caso subtipo células de Múrthle	0%
MEDULAR	22	15/7	5 años 10 meses	Antecedentes familiares 81% Enfermedad de Hirschprung 14% Tumoración cervical 5%	81% (18 casos) 4 casos de novo	6 años 3 meses	Paresia cuerdas vocales 5% Hipoparatiroidismo 15%	Hiperplasia de células C 60% Carcinoma in situ 36% Normalidad 5%	Ganglionares 5%

# O4/d3-030

# CRIBADO NEONATAL DE HIPOTIROIDISMO CON-GÉNITO EN UN CENTRO DE REFERENCIA: ESTU-DIO EPIDEMIOLOGICO Y CLINICO

Ji. Perales Martínez<sup>1</sup>, A. De Arriba Muñoz<sup>2</sup>, M. Ferrer Lozano<sup>2</sup>, Y. Gonzalez Irazabal<sup>3</sup>, P. Navarro Beltrán<sup>4</sup>, Ji. Labarta Aizpun<sup>2</sup>.

(1) Centro De Salud Teruel Urbano. Teruel. (2) Endocrinologia Pediatrica. Hospital Universitario Miguel Servet. Zaragoza. (3) Bioquimica. Unidad de Cribado Neonatal. Hospital Universitario Miguel Servet. Zaragoza. (4) Medicina Nuclear. Hospital Universitario Miguel Servet. Zaragoza.

Los objetivos del estudio han sido conocer los aspectos epidemiológicos y clínicos del HC primario detectado mediante el cribado en un centro de referencia desde su instauración en 1979 y estimar su incidencia actual.

# Pacientes y metodos.

Estudio descriptivo de 115 casos de HC diagnos-

ticados mediante el cribado neonatal desde Abril 1979 hasta Diciembre 2011. Parámetros estudiados: sexo, edad, parámetros bioquímicos, clínicos y radiológicos, dosis inicial de levotiroxina (LT4) y respuesta (normalización TSH). Estudio de la incidencia en nuestro medio en el último decenio (2006-2015).

# Resultados.

115 casos, 60,9% mujeres. TSH media del cribado: 112.20 ± 156.16 uUI/mL. Edad confirmación diagnóstica: 13,10 ± 10,22 días. Dosis inicial LT4: 11,07 ± 3,01 µg/Kg/día. Etiología: agenesias: 24,3% (n=28), ectopias: 32,2% (n=37) y tiroides eutópico: 43,5% (n=50). HC: permanentes: 80,9% (n=93) y transitorios: 19,1% (n=22). Entre los distintos grupos etiológicos se han encontrado diferencias estadísticamente significativas en todos los parámetros estudiados excepto en días de vida al diagnóstico y dosis media de LT4 (Tabla 1). Número de casos/año detectados en los diferentes periodos analizados según el nivel de corte de TSH en talón: 1979-1989 (TSH 25 μUI/mL): 2.8; 1990-1995 (TSH 20 μUI/mL): 1.9; 1996-2011 (TSH 10 µUI/mL): 4.5. Al comparar los diferentes periodos analizados se observa un mayor número de HC con tiroides eutópico (15.6%, 18.2% y 59.8% respectivamente) y menor tiempo de normalización de TSH (88.7, 23.9 y 14.4 días respectivamente).

	AGENESIAS	ECTOPIAS	EUTÓPICOS	p
n	28 (24.3%)	37 (32.2%)	50 (43.5%)	-
Sexo (V/M)	21.4/78.6	32.4/67.6	54/46	< 0,001
TSH cribado (1ª)	$207.22 \pm 219.88$	$107.04 \pm 114.86$	$62.80 \pm 99.33$	< 0,001
(mediana)	149	65.00	20.30	
Días de vida	$12.75 \pm 6.47$	$12.76 \pm 14.15$	$13.59 \pm 8.34$	NS
TSH	$226.78 \pm 199.32$	$113.16 \pm 101.24$	$67.44 \pm 59.01$	< 0,001
(mediana)	161.90	85.01	45.53	
T4L	$0.24\pm0.12$	$0.72\pm0.34$	$0.83 \pm 0.47$	< 0,001
Tiroglobulina	$1.78 \pm 3.78$	$149.05 \pm 139.25$	$231.31 \pm 522.72$	< 0,001
İndice Letarte	$5.87 \pm 2.08$	$2.89 \pm 2.36$	$1.90 \pm 2.15$	< 0,001
Rx rodillas (mm²)	$5.60 \pm 8.96$	$18.38 \pm 14.72$	26.41 ± 15.60	< 0,001
Dosis media LT4	$10.62 \pm 3.31$	$11.74 \pm 2.78$	$10.81 \pm 2.96$	NS
Normalización TSH	$80.04 \pm 98.68$	$32.16 \pm 62.10$	$15.35 \pm 7.89$	< 0,001
(mediana)	36.50	14.00	14.00	

Tabla 1: Comparación de las variables entre los grupos etiológicos.

Entre los años 2006-2015 (94.892 recién nacidos evaluados) se han detectado 75 casos positivos en el cribado neonatal, de los cuales 48 han resultado ser HC; el 50% eutópicos (n= 24), 35,4% ectopias (n= 17) y 14,6% agenesias (n= 7). Se estima una incidencia en este periodo de 1:1265 para casos positivos y de 1:1976 para HC.

# Comentario.

Las características etiológicas y clínicas del HC en nuestra serie son similares a las referidas en la li-

teratura encontrando una incidencia superior. Las medidas de optimización del programa han sido eficaces y permiten mejorar la respuesta al tratamiento.

10.3266/RevEspEndocrinolPediatr.pre2016.Apr.356

# Hipotálamo-Hipófisis

#### O4/d3-031

DETERMINACIÓN DE LA GENÉTICA MONOGÉNICA/OLIGOGÉNICA EN HIPOGONADISMO HIPOGONADOTROPO CONGÉNITO/SÍNDROME DE KALLMAN MEDIANTE SECUENCIACIÓN MASIVA KE. Heath¹, C Polo Vaquero¹, J Rodriguez Contreras², M Aza Carmona¹, E Vallespin¹, K Ibañez Garikano³, M. Alonso⁴, R. Barrio⁴, J. Pozo Román⁵, L. Sentchordi⁶, P. Ros Pérez⁻, I. Navarro Hidalgoఠ, M. Alija Merillas ff, J. Ramírez fo, S. García-Miñaúr fo, B. Lecumberri Santamaria fo, I. González Casado fo, A. Campos-Barros¹.

(1) INGEMM, IdiPAZ, Hospital Universitario La Paz y CIBERER, ISCIII. Madrid. (2) Servicio de Endocrinología Pediátrica y INGEMM, Hospital Universitario La Paz, Madrid (3) INGEMM, IdiPAZ, Hospital Universitario La Paz, Madrid. (4) Hosp Univ Ramón Cajal, Madrid, (5) Hosp Univ Infantil Niño Jesús, IIS Princesa, UAM, Madrid, (6) Hosp Univ Infanta Leonor, Madrid, (7) Hosp Univ Pta de Hierro, Madrid, (8) Hospital Manises, Valencia, (9 Hosp Guadalajara, Guadalajara, (10) Hosp Univ Principe de Asturias, Álcala de Henares.

# Introducción:

El hipogonadismo hipogonadotrópo congénito (HHC) es una enfermedad rara de la maduración sexual caracterizada por una deficiencia de gonadotropinas (FSH, LH) con bajos niveles de esteroides sexuales. Existen dos tipos: a) el síndrome Kallman (SK) que se caracteriza por un déficit de hormona liberadora de gonadotropina (GnRH) y anosmia o hiposmia; y b) HH sin anosmia. El HHC también puede aparecer asociado a otras enfermedades endocrinas como la deficiencia combinada de hormonas hipofisarias (DCHH), displasia septo-óptica (DSO) o la hipoplasia adrenal, o bien como parte de cuadros sindrómicos (CHARGE....). El número de genes asociado a estas patologías se ha ido incrementando durante los últimos años, existiendo mucho solapamiento genético entre HHC y DCHH. Asimismo algunos estudios han sugerido un patrón de herencia digénico u oligogénico, que contrasta con la clásica consideración de etiologías monogénicas.

## Objetivos:

Identificar las mutaciones de una cohorte de HHC mediante un panel de secuenciación masiva (NGS) y determinar si la herencia es monogénica o oligogénica.